

8. LC/MS-Diskussionstreffen 2010
„Aktuelle Probleme in der Quantifizierung mit LC/MS(MS)“
- Historische Stadthalle Wuppertal -

19. April 2010: Workshop, Mahler Saal

13.00 – 14.30 Registrierung

Dried Blood Spots – eine Revolution wie LC-API/MS vor ca. 20 Jahren?

14:30 Eröffnung und Chair: D. Zimmer, Harlan Laboratories Ltd., Itingen, CH

14:35 N. Spooner, GlaxoSmithKline, Ware, Hertfordshire, UK
The Use of Dried Blood Spot Samples for Quantitative Drug Bioanalysis:
Implementation and Future Directions

15:05 Diskussion

15:15 R. Schmidt, Sanofi-Aventis, Frankfurt
Experience with Dried Blood Spot Technique at Sanofi-Aventis

15:45 Diskussion

16:00 Kaffee & Snacks

Absolute Quantifizierung von Proteinen mit LC/MS – wo stehen wir heute?

5 min Diskussion nach jedem Vortrag

16:15 C. Hagmann Swiss BioAnalytics, Birsfelden, CH
Absolute Quantification of Monoclonal Antibodies in Serum

16:50 G. Hopfgartner, Universität Genf, CH
Absolute Quantifizierung von Proteinen mit LC/MS : Habe ich genügend Selektivität
und wie kann ich meine Probenvorbereitung beschleunigen?

17:25 S. Bek, Novartis Pharma AG, Basel, CH
Herausforderungen und Lösungen bei absoluter Quantifizierung von Biomarkern

17:50 W. Rist – Boehringer Ingelheim, Biberach
Einfacher Workflow zur Quantifizierung von NBEs in Plasmaproben

18:15 D. Zimmer: Interner Standard? – JA! – Aber was für einer?

18:30 Abschlußdiskussion

18.00 – 19.30 Registrierung, Majolika Saal Ost

19.00 – 23.00 Get-Together-Dinner, Mendelssohn Saal

AGENDA

20. April 2010: LC-MS Diskussionstreffen

08:00 – 09:00 Kaffee-Empfang, Registrierung in der Wandelhalle

Plenarvorträge, Mendelssohn Saal

In der Vortragsdauer sind 5 min Diskussion enthalten!

09:00 Eröffnung und Chair: D. Zimmer, Harlan Laboratories Ltd., Itingen, CH

09:10 A. Barsch, P. Decker, Bruker Daltonik, Bremen
Anwendungen hochauflösender MS für Strukturaufklärung und Rückstandsanalytik

09:40 W. Amoyal, Disruptive Technologies, Villecresnes, France
P. Tremblay, Phytronix Technologies, Québec, Canada
Laser Diode Thermo Desorption (LDTD) for High Throughput Bioanalytics

10:10 J-P. Chervet, Antec, Leyden, NL, und Axel Semrau GmbH, Sprockhövel
On-Line Elektrochemie/MS eine vielversprechende Analytische Methode für
Proteomics, Metabolomics und verwandte "Omics" Applikationen

10:40 Kaffee, Majolika Saal Ost & Hindemith Saal

11:10 K. Schmeer et al., Bayer Cropscience AG, Monheim
Chromatographie bei erhöhter Temperatur für schnelle LC-MS/MS

11:40 Verleihung AB SCIEX LC/MS Preis und Vortrag des Preisträgers

12:30 Mittagessen, Wandelhalle und Restaurant Rossini

SPLIT Session A : Session B, im Anschluß an das Mittagessen

Programm Session A und B: siehe folgende Seiten

A G E N D A: 20. April 2010

Session A, Pharma-Bioanalytik, Mendelssohn Saal

Chair U. Karst, Universität Münster

Vortragsdauer: 20 min plus ca. 5 min Diskussion

13:30 K.S. Boos et al., Univ. Klinikum München
Cell-disintegrated Blood (CDB): A unique substitute for dried blood spots (DBS)

13:55 W. Feser-Zügner, Merz GmbH, Frankfurt/Main
Peakflächenvariationen des internen Standards

14:20 A. Luippold, Boehringer Ingelheim, Biberach,
Eine neue und integrierte Plattform für vollautomatisierte High-Throughput LC-MS/MS Analyse von in vitro ADME Proben

14:45 H. Mascher, pharm-analyt GmbH, Baden, A
PEG und PEG-Peptide aus Plasma - eine wirkliche Herausforderung

15:10 Kaffee, Majolika Saal Ost

15:40 D. Schmiederer, T. Koal, Biocrates, Innsbruck, A
Analytische Herausforderungen und deren Lösungen bei der quantitativen Analyse von Phospholipiden und Ceramiden (Lipidomics)

16:05 M. Rundt, A. Reißner, FAVILAB Datensysteme GmbH, Füssen
Auswertung chromatographischer Daten in bioanalytischen Studien mit FAVILIMS

16:30 J. Baute, S. During, Phenomenex AG, Aschaffenburg
Die Vorteile der Core-Shell-Technologie unter Verwendung der LCMS

Ende gegen 17.00 Uhr

Information für Referenten:

Bitte kopieren Sie Ihren Vortrag von USB-Stick im jeweiligen Vortragssaal zwischen 8:30 und 09:00 Uhr oder in den Pausen. Notebook (Windows XP, MS Office XP), Beamer sind vorhanden. Bei technischen Fragen rufen Sie bitte Herrn Wiedenhoff (Technik) in der Stadthalle Wuppertal unter 0202 / 24589-19 an (e-mail: wiedenhoff@stadthalle.de).

AGENDA: 20. April 2010

Session B, Rückstandsanalytik, Mahler Saal

Chair W. Dreher, BASF, Limburgerhof

Vortragsdauer: 20 min, plus ca. 10 min Diskussion

- 13:30 T. Bernsmann, CVUA, Münster
Bestimmung von Beta-Agonisten mittels Turbo Flow und hochauflösender MS
- 14:00 M. Stephan, LAV Sachsen-Anhalt, Halle
LC-MS/MS kleiner Moleküle - Nitrosamine in Luftballons
- 14:30 C. Portner et al., Inst. für Energie- und Umwelttechnik e.V. (IUTA), Duisburg
Möglichkeiten und Grenzen der LC-MS zur Bestimmung
von Mykotoxinen im Hausstaub auch ohne Referenzsubstanzen
- 15:00 Kaffee, Hindemith Saal**
- 15:30 A. Besa, AB Sciex, Erhöhung der Selektivität ohne Kompromisse in der
Empfindlichkeit: LC-MS³ (LC-MRM³) in der Quantifizierung
- 16:00 W. Schulz, Zweckverband Landeswasserversorgung, Langenau
Anreicherungsfreie Bestimmung von organischen Spurenstoffen mittels
LC-MS/MS in Wasser
- 16:30 C. Krantz et al., Thermofisher Scientific, Reinach, CH
Quantifizierung von Pestiziden in Matrix mit Orbitrap mittels Full-MS und HCD
Fragmenten

Ende gegen 17.00 Uhr

Information für Referenten:

Bitte kopieren Sie Ihren Vortrag von USB-Stick im jeweiligen Vortragssaal zwischen 8:30 und 09:00 Uhr oder in den Pausen. Notebook (Windows XP, MS Office XP), Beamer sind vorhanden. Bei technischen Fragen rufen Sie bitte Herrn Wiedenhoff (Technik) in der Stadthalle Wuppertal unter 0202 / 24589-19 an (e-mail: wiedenhoff@stadthalle.de).